

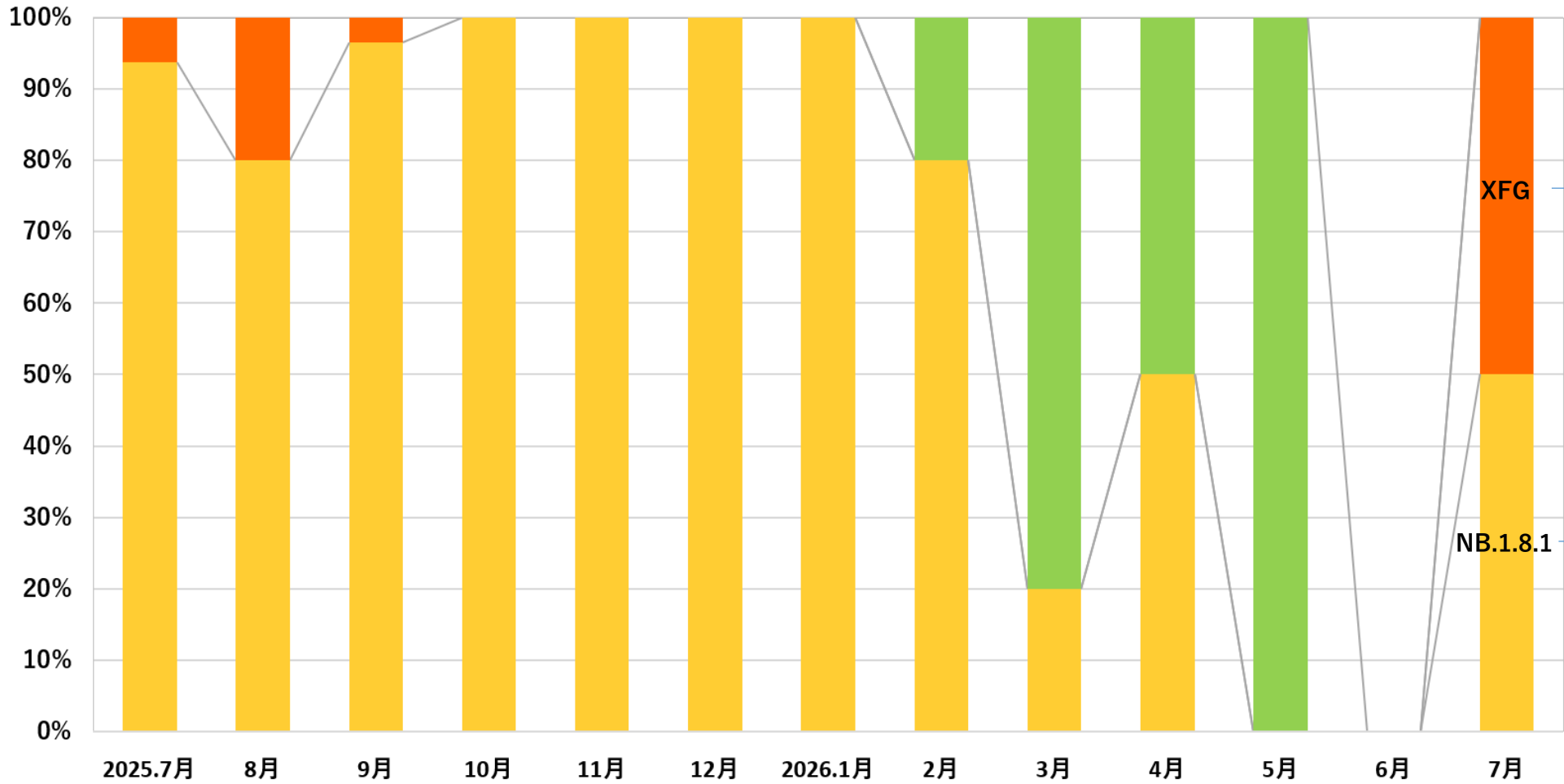
神奈川県衛生研究所
SARS-CoV-2ゲノム解析モニタリングの結果
(2025年7月～2026年7月まで)

神奈川県衛生研究所SARS-CoV-2ゲノム解析モニタリングの結果(2025.7~2026.7)

解析可能数 110

2026.7検出株	
RV.1.1	1株
PQ.2.1.11	1株

変異系統の割合



検出数	32	15	29	10	4	1	4	5	5	2	1	0	2
-----	----	----	----	----	---	---	---	---	---	---	---	---	---

NB.1.8.1(+PQ,RC) XFG(+RV) BA.3.2(+RE,SS)

神奈川県域で検出された変異系統(2023.4~2026.7：230種)

Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage
21L	CM.5	22F	XBB.1	23D	XBB.1.9	24A	JN.1	24F	XEC
	CM.8.1		XBB.2		XBB.1.9.1		JN.1.1		XEC.2
22D	BN.1.2		XBB.1.11.1		FL.1.5.2		JN.1.1.1		XEC.2.1
	BN.1.3		XBB.1.15		FL.2		JN.1.1.5		XEC.4
	BN.1.3.2		XBB.1.22		FL.3.1		KR.1		XEC.4.1
	BN.1.3.13		XBB.1.22.1		FL.4		JN.1.2		XEC.5
	CJ.1.3		XBB.1.24.3		FL.5		JN.1.4		XEC.8
23C	CH.1.1		XBB.1.42.2		FL.10		JN.1.4.5	24G	KP.2.3
	DV.6		FY.1		FL.10.1		JN.1.7	24H	LF.7
	FK.1.1		FY.1.1		FL.14		JN.1.8.1		LF.7.1.3
	FK.1.2.1		FY.2		FL.15		JN.1.11	24I	LF.7.2.1
	FK.1.3.2		FY.1.2		FL.20.1		KS.1		MV.1
22B	BA.5.2.6		FY.3		FL.24	24B	JN.1.16	25A	LP.8.1
	BA.5.2.35		FY.5		XBB.1.9.2		JN.1.16.1		LP.8.1.1
	BF.7.15		FY.6		EG.1		JN.1.16.3	25B	NB.1.8.1
22E	BQ.1.1	23A	HU.1.1		EG.1.6		JN.1.18		PQ.1
	BQ.1.1.45		XBB.1.5		EG.2		JN.1.18.3		PQ.2
	BQ.1.25		XBB.1.5.1		EG.2.2		JN.1.30.1		PQ.2.1
	BQ.1.28		XBB.1.5.5		EG.5		JN.1.32		PQ.2.1.3
			XBB.1.5.10	23F	EG.5.2		JN.1.39		PQ.2.1.11
			XBB.1.5.12		EG.10.1		JN.1.42.1		PQ.2.2
			XBB.1.5.41		EG.5.1		JN.1.43.1		PQ.2.4
			XBB.1.5.42		EG.5.1.1		JN.1.48.1		PQ.2.5
			XBB.1.5.94		HK.1.2		LB.1		PQ.2.8.1
			JD.1.1		HK.13.1		LB.1.3		PQ.4
		23G	GK.1.1		HK.20.1		LB.1.7		PQ.8
			GK.1.1.1		HK.22		MB.1.1		PQ.8.1
		23B	XBB.1.16		HK.27.1.1	24C	MT.1		PQ.10
			XBB.1.16.1		EG.5.1.2		JN.1.11.1		PQ.10.1
			XBB.1.16.2		EG.5.1.3		KP.1.1		PQ.14
			XBB.1.16.4		JG.3		KP.1.1.1		PQ.15
			XBB.1.16.7		JG.3.2	24E	KP.2		PQ.16
			XBB.1.16.11		EG.5.1.4		KP.2.8		PQ.17
			XBB.1.16.17		JJ.1		KP.2.14		PQ.25
			XBB.1.16.20		EG.5.1.6		KP.4.1		PQ.25.2
			XBB.1.16.23		HV.1	24D(recombinant)	KP.3	25C	RC.1
			FU.1		HV.1.1		KP.3.1		RC.2
			FU.2	23H	EG.5.1.8		KP.3.1.3		XFG
			GY.5		EG.5.1.14		KP.3.1.4		XFG.3
			GY.8		EG.5.1.17		KP.3.2.1		XFG.3.8
			HF.1		HK.3		KP.3.2.3		XFG.5
		23E	XBB.2.3		HK.3.1		KP.3.2.5	25I	RV.1.1
			XBB.2.3.2		HK.3.2	23I	KP.3.3		RE.1.1
			XBB.2.3.3		HK.3.2.2		KP.3.3.1		RE.1.1.4
			XBB.2.3.6		HK.3.3		KP.3.3.3	recombinant	SS.2
			XBB.2.3.8		HK.3.9		KP.3.4		XDL
			XBB.2.3.11		HK.3.14		ML.1		XDO
			GJ.1.1		BA.2.86.1		ML.2		XDO.1
					JN.2	24E	XDV.1		XDS
					JN.3		KP.3.1.1		XDY
					JN.6		MC.1		XDY.3
					JN.10		MC.8.1		XEK
					JN.14		MC.10		XEL
							MC.10.1		
							MC.10.2		
							MC.17		
							MC.19		

赤字は最近1か月で
出現した新規系統

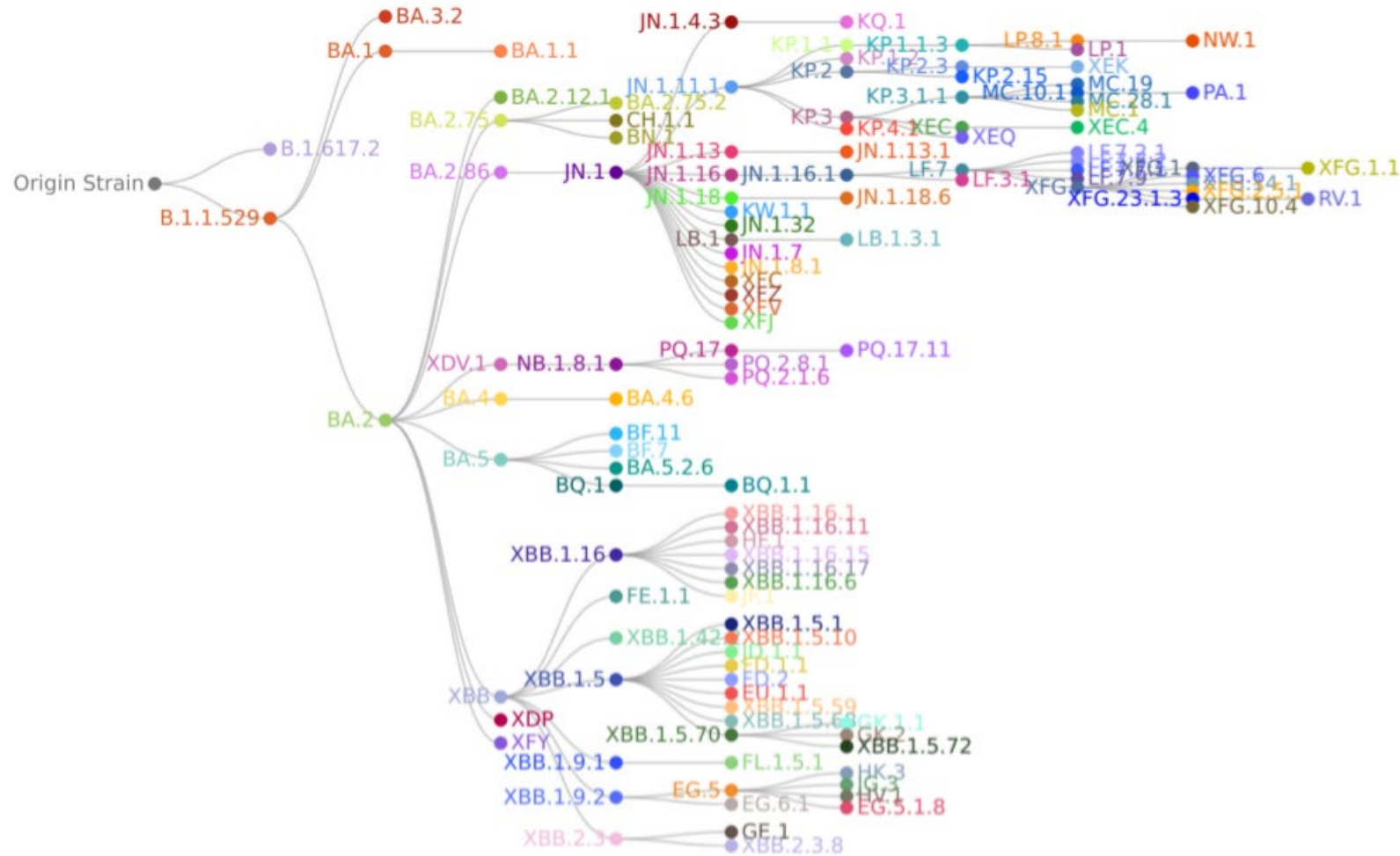
※米国CDCの変異株系統図をスライド
5枚目に掲載しておりますので
ご参照ください。

- 2023年4月～2026年7月に県域で230種のオミクロン変異系統が検出された。
- 2025年4月にJN.1系統とXDEの組換え系統であるXDV.1から派生したNB.1.8.1系統（通称名ニンバス）が検出された。5月より急増し、10月以降は検出株の全てがNB.1.8.1系統となっていた。2026年2月以降は減少傾向にあったが、下位系統であるRC.1が4月に検出され、さらに7月にはPQ.2.1.11が検出された。
- 2025年6月にLF.7系統とLP.8.1.2系統の組換え系統であるXFGが検出されたが、10月には検出されなくなった。しばらくXFGの検出はなかったが、2026年7月に下位系統であるRV.1.1が検出された。
- 2026年2月に、BA.3.2系統の下位系統であるRE.1.1が検出され、5月にさらにその下位系統であるSS.2が検出された。
- 7月時点のARIサーベイランスにおけるSARS-CoV-2陽性率は低いが、新型コロナウイルス感染症の定点あたり報告数は増加傾向にあることから、今後の動向に注視が必要である。

本解析は厚生労働省行政推進事業補助金（JPMH21HA2003, JPMH24HA2005）の助成を受け運用されているPathoGenSによって行われました。

- 注1. 厚生労働省健康・生活衛生局感染症対策部感染症対策課長通知（感感発1017第1号、令和6年10月17日）により、新型コロナウイルスのゲノム解析実施件数の目安が「全県で140件/月」から「地方衛生研究所毎に5件/週（20件/月）程度」へ変更となりました。
- 注2. 2025年4月7日からは急性呼吸器感染症（Acute Respiratory Infection：ARI）が感染症法上の5類感染症（定点把握疾患）に位置付けられ、ARIサーベイランスが開始されたことから、2025年3月で定点モニタリング事業は終了しました。4月以降のSARS-CoV-2全ゲノム解析は、主にARIサーベイランスでSARS-CoV-2陽性となった症例について実施しています。
- 注3. データの累積度平準化を目的として、掲載範囲を約1年間とさせていただいております。過去データについては[旧資料](#)をご参照ください。 神奈川県衛生研究所 2026/8/24現在

参考：変異株系統図



米国CDC：Variants and Genomic Surveillance より引用 (2026/8/24アクセス)
<https://www.cdc.gov/covid/php/variants/variants-and-genomic-surveillance.html>