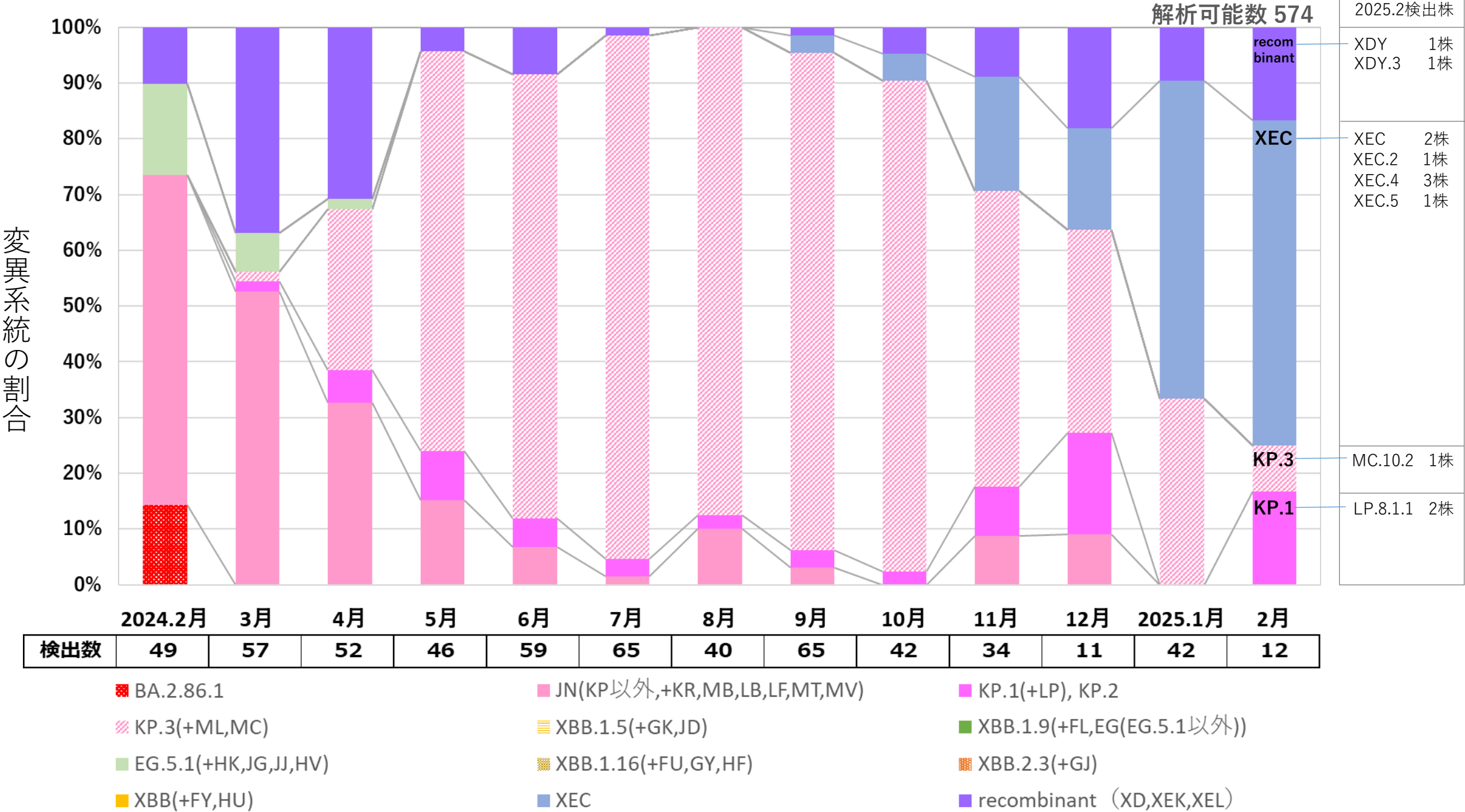


神奈川県衛生研究所
SARS-CoV-2ゲノム解析モニタリングの結果
(2024年2月～2025年2月まで)

神奈川県衛生研究所SARS-CoV-2ゲノム解析モニタリングの結果(2024.2~2025.2)



※2024年4月報告分よりLineage別で再分類しグラフを作成しております

神奈川県域で検出された変異系統(2023.4~2025.2：196種)

Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage	Clade	Lineage																												
21L	CM.5 CM.8.1	22F	XBB.1 XBB.2 XBB.1.11.1 XBB.1.15 XBB.1.22 XBB.1.22.1 XBB.1.24.3 XBB.1.42.2	23D	XBB.1.9 XBB.1.9.1 FL.1.5.2 FL.2 FL.3.1 FL.4 FL.5 FL.10 FL.10.1 FL.14 FL.15 FL.20.1 FL.24 XBB.1.9.2 EG.1 EG.1.6 EG.2 EG.2.2 EG.5 EG.5.2 EG.10.1	24A	JN.1 JN.1.1 JN.1.1.1 JN.1.1.5 KR.1 JN.1.2 JN.1.4 JN.1.4.5 JN.1.7 JN.1.8.1 JN.1.11 KS.1 JN.1.16 JN.1.16.1 JN.1.16.3 JN.1.18 JN.1.18.3 JN.1.30.1 JN.1.32 JN.1.39 JN.1.42.1 JN.1.43.1 JN.1.48.1 LB.1 LB.1.3 LB.1.7 MB.1.1 MT.1	24F	XEC XEC.2 XEC.2.1 XEC.4 XEC.5																												
22D	BN.1.2 BN.1.3 BN.1.3.2 BN.1.3.13 CJ.1.3		FY.1 FY.1.1 FY.2 FY.1.2 FY.3 FY.5 FY.6 HU.1.1		EG.5.1 EG.5.1.1 HK.1.2 HK.13.1 HK.20.1 HK.22 HK.27.1.1 EG.5.1.2 EG.5.1.3 JG.3 JG.3.2 EG.5.1.4 JJ.1 EG.5.1.6 HV.1 HV.1.1 EG.5.1.8 EG.5.1.14 EG.5.1.17		24B		JN.1.11.1 KP.1.1 KP.1.1.1 KP.2 KP.2.8 KP.2.14 KP.4.1 KP.3 KP.3.1 KP.3.1.3 KP.3.1.4 KP.3.2.1 KP.3.2.3 KP.3.2.5 KP.3.3 KP.3.3.1 KP.3.3.3 KP.3.4 ML.1 ML.2	24G	KP.2.3																										
	23C		CH.1.1 DV.6 FK.1.1 FK.1.2.1 FK.1.3.2		23A				XBB.1.5 XBB.1.5.1 XBB.1.5.5 XBB.1.5.10 XBB.1.5.12 XBB.1.5.41 XBB.1.5.42 XBB.1.5.94 JD.1.1		23F	24C	recombinant	LF.7 LF.7.1.3																							
			22B						BA.5.2.6 BA.5.2.35 BF.7.15					23G	GK.1.1 GK.1.1.1	23H	24E	MV.1																			
									22E						BQ.1.1 BQ.1.1.45 BQ.1.25 BQ.1.28			23B	XBB.1.16 XBB.1.16.1 XBB.1.16.2 XBB.1.16.4 XBB.1.16.7 XBB.1.16.11 XBB.1.16.17 XBB.1.16.20 XBB.1.16.23 FU.1 FU.2 GY.5 GY.8 HF.1	23I	LP.8.1 LP.8.1.1																
23E															XBB.2.3 XBB.2.3.2 XBB.2.3.3 XBB.2.3.6 XBB.2.3.8 XBB.2.3.11 GJ.1.1				24D(recombinant)		24I	XDL XDO XDO.1 XDS XDY XDY.3 XEL															

赤字は最近1
出現した新規

※米国CDCの変異株系
5 枚目に掲載してお
ご参照ください。

神奈川県衛生研究

赤字は最近1か月で
出現した新規系統

※米国CDCの変異株系統図をスライド
5枚目に掲載しておりますので
ご参照ください。

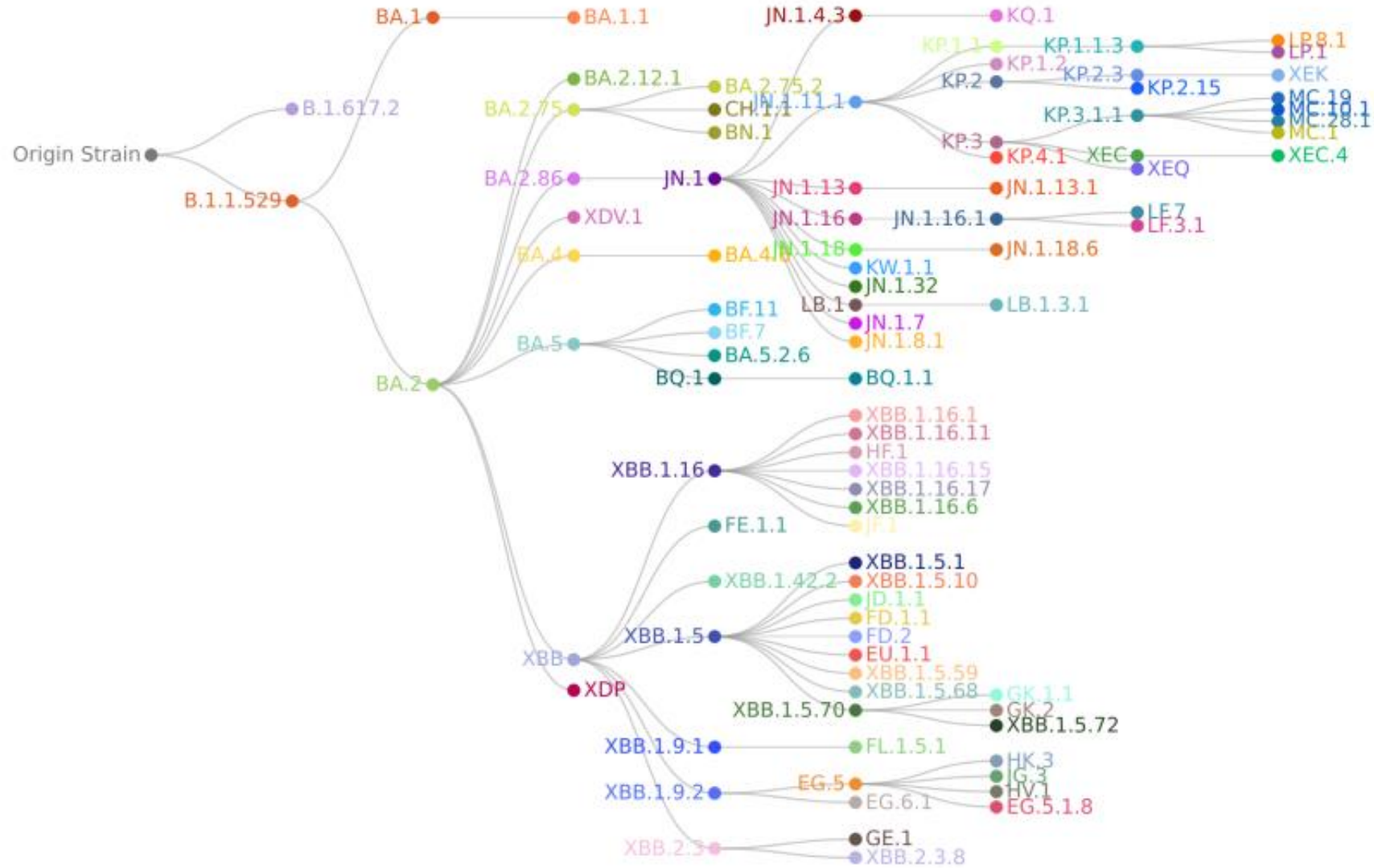
- 2023年4月～2025年2月に県域で196種（2022年7月からの累計269種）のオミクロン変異系統が検出された。
- 2023年12月にBA.2.86.1系統の亜系統であるJN系統が初めて検出され、2024年3月にはJN.1.11.1系統の亜系統であるKP系統が検出された。その中でもKP.3系統が主流であり、10月には検出数の88%を占めていたが、以降は減少傾向となり、2025年2月には8%にまで減少した。
- 2024年9月にKS.1.1系統とKP.3.3系統の組換え系統であるXECが初めて検出された。12月は検出数の18%であったが、2025年1月は57%、2月は58%と増加傾向がみられる。
- 組換え系統（XDY, XEK）は検出数の17%と横ばいに推移しており、今のところ増加傾向はみられていない。今後も引き続き動向を注視していきたい。

本解析は厚生労働省行政推進事業補助金（JPMH21HA2003, JPMH24HA2005）の助成を受け運用されているPathoGenSによって行われました。

注1. 厚生労働省健康・生活衛生局感染症対策部感染症対策課長通知（感感発1017第1号、令和6年10月17日）により、新型コロナウイルスのゲノム解析実施件数の目安が「全県で140件/月」から「地方衛生研究所毎に5件/週（20件/月）程度」へ変更となりました。

注2. データの累積度平準化を目的として、掲載範囲を約1年間とさせていただきます。過去データについては[旧資料](#)をご参照ください。

参考：変異株系統図



米国CDC：COVID Data Trackerより引用（2025/3/26アクセス）
<https://covid.cdc.gov/covid-data-tracker/#variant-proportions>